

**Etude de la variabilité génétique du VHB
sans ARV, sous 3TC et sous TDF+FTC en
contexte de forte prévalence de
l'hépatite B et du VIH
Étude VarBVa**

PACCI Trivacan /Temprano

SMIT

Hôpital St Antoine à Paris

CHU Lyon

Contexte

- En Afrique Sub Saharienne et en CI
 - Forte prévalence de l'Infection VHB (>8%) et de VIH (5%);
 - Coinfection (12%)
- Mutations virales sur le virus B liées :
 - à la pression des traitements
 - aux défenses immunes de l'Hôte
- Plusieurs types de mutations virales (mutations du gène S, gène Pol, gène C)
 - Impact clinique et thérapeutique
 - Certaines mutations diminueraient l'efficacité du vaccin VHB (P120, G145 du gene S) *=> transmission à des sujets vaccinés ; problème diagnostique sérologique.
 - En France peu d'études sans et avec traitement car les patients ont tous reçus du 3TC

Objectifs

Objectif principal:

Étudier l'impact du traitement antiviral B au cours du temps sur la variabilité génétique du VHB chez les patients infectés par le VIH et vivant en Afrique

Méthodes

- Etude longitudinale de cohorte
- Critères d'Inclusion dans l'étude :
 - Patients coinfectés VIH –VHB
 - Participé aux études [Trivacan](#) et [Temprano](#)
 - Ayant deux point de suivis (sérothèque)
 - 3 groupes
 - [Sans traitement](#)
 - Avec [3TC continu \(ou interrompu\)](#)
 - [Sous TDF +FTC](#)
- Caractérisation complète du génome (bulk sequencing)
- Analyse
 - Descriptive des résistances dans le temps selon les groupes et comparaison des taux d'incidence dans chaque groupe par rapport au groupe non traité
 - Des facteurs associés à ces résistances

Projet soumis à l'appel d'offres de Mars 2010

Réponse en attente

Merci de votre attention