

## VIH/FONDAMENTALE

### Liste des projets et des bourses financés au 2<sup>e</sup> appel d'offres 2007

#### CSS1 « Interactions hôte/virus »

##### PROJETS

ARENZANA-SEISDEDOS Fernando	Département Virologie, Institut Pasteur, Paris	Evolution genotypique et phénotypique du tropisme et recherche des mécanismes d'adaptation virale chez les sujets traités par un antagoniste de CCR5
ARNOULT Damien	Inserm U 542, Hopital Paul Brousse, Villejuif	Dynamique mitochondriale dans les interactions hôtes/VIH-1
AUTRAN Brigitte	INSERM U 543, Hôpital de la Pitié-Salpêtrière,	Etude des cellules critiques du réservoir latent et inductible du VIH-1 chez les sujets Asymptomatiques à Long Terme, selon leurs caractéristiques génétiques et immunologiques
BRELOT Anne	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Trafic intracellulaire de CCR5 : vers de nouvelles cibles antivirales
CHAKRABARTI Lisa	Institut Pasteur, Paris	Etude des réponses TCD 4+ spécifiques chez les patients HIV controllers
CHEYNIER Rémi	Laboratoire de Virologie Moléculaire et Structurale, Institut Pasteur, Paris	Intégration du VIH dans les sous-populations lymphocytaires T naïves in vivo
CIMARELLI Andrea	INSERM U758, ENS de Lyon	Characterization of the early steps of HIV infection in lymphocytes, monocytes, macrophages and DCs and of their modulation by viral and cellular factors
CLAVEL François	INSERM U 552, IMEA-INSERM, Hôpital Bichat, Paris	Capacité répliquative des VIH primaires : rôle de la pression de sélection exercée par les facteurs de restriction intracellulaire de la famille TRIM
EMILIE Dominique	INSERM U764, Université Paris XI, Clamart	Influence de la réplication du VIH et de l'interferon ALPHA sur la population lymphocytaire B mémoire spécifique du virus
HOSMALIN Anne	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Optimisation des voies de présentation croisée de l'antigène dans les cellules dendritiques
KIERNAN Rosemary	CNRS UPR 1142, Institut de Génétique Humaine, Montpellier	Regulation of HIV-1 transcription by Ubiquitin Interacting Motif-Containing Proteins
LEVY Yves	INSERM U841, Université Paris 12, Faculté de Médecine de Créteil	Etude de la balance T effectrice et régulatrice dans la muqueuse intestinale des patients infectés par le VIH
MARGOTTIN GOGUET Florence	INSERM U 567, CNRS UMR6104, institut cochin, Paris	Etude du mécanisme d'action de la protéine VPX dans l'infection par le virus VIH-2
PIQUE Claudine	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Etudes fonctionnelles de l'interaction entre la polyprotéine Gag du VIH-1 et la protéine cellulaire hDIg

**BOURSES**

Non nominative	ARENZANA-SEISDEDOS Fernando Département Virologie, Institut Pasteur, Paris	Evolution genotypique et phenotypique du tropisme et recherche des mécanismes d'adaptation virale chez les sujets traités par un antagoniste de CCR5
BAUBY Hélène	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	TIP47 : Fonctions dans le cycle réplcatif du VIH-1 et dans la cellule
Non nominative	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Recherche des partenaires d'interaction de CCR5 impliqués dans son trafic intracellulaire
Non nominative	Laboratoire de Virologie Moléculaire et Structurale, Institut Pasteur, Paris	Intégration du VIH dans les sous-populations lymphocytaires Tnaïves in vivo
Non nominative	CNRS UMR 8122, Institut Gustave Roussy, Villejuif	Cible moléculaire d'un domaine fonctionnel essentiel pour la virémie porté par les protéines d'enveloppe immunosuppressives des oncorétrovirus et la protéine Nef de HIV
KUNKEL Désirée	Département de Virologie, Institut Pasteur, Paris	Phenotype, function and dynamics of regulatory T cells : differences in non-pathogenic versus pathogenic SIV infection
LATREILLE Daniel	CNRS UPR 1142, Institut de Génétique Humaine, Montpellier	Régulation de la transcription du VIH-1 par les protéines contenant le motif d'interaction avec l'ubiquitine
MAVOUNGOU-BIGOUAGOU Ulrick	INSERM U564, Equipe Avenir INSERM, CHU d'Angers	Modulation des propriétés de la molécules Tat du VIH par les pentraxines-études in vitro et in vivo
MOLLE Dorothée	CNRS UMR 5535, Institut de génétique Moléculaire de Montpellier	Etude des phases tardives de la réplication rétrovirale : Biogénèse, trafic et assemblage du VIH-1
VASSELON Thierry	CNRS FRE2593 CRBM, Montpellier	Mécanisme moléculaires et cellulaires de la reconnaissance du VIH par les Toll-like Receptors

**CSS2 « Biologie structurale et Génétique Moléculaire »****PROJETS**

ALVAREZ Karine	UMR CNRS 6098, Marseille	Tenothiovir et adethiovir : nouveaux analogues phosphonates acycliques pour cibler les VIH-1 résistants
BACHELERIE Françoise	Département Virologie, Institut Pasteur, Paris	Détermination des propriétés fonctionnelles de l'hétérodimère CXCR4/CXCR7 et implication dans l'infection par le VIH
BENKIRANE Monsef	CNRS UPR 1142, Institut de Génétique Humaine, Montpellier	Etude des mécanismes moléculaires de la latence transcriptionnelle et réactivation dans le modèle de Macaque
DUMAS Philippe	CNRS UPR 9002, Institut de Biologie Moléculaire et Cellulaire, Strasbourg	Structures cristallographiques de complexes d'initiation de la rétro-transcription du VIH-1
EMILIANI Stéphane	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Contrôle de la réplication du VIH-1 par les cofacteurs cellulaires de l'intégrase
LOPEZ André	CNRS UMR 5089, IPBS, Toulouse	Caractérisation de l'organisation dynamique des récepteurs du VIH à la membrane de cellules cibles vivantes
MIRANDE Marc	CNRS FRE 2930, Gif-sur- Yvette	Rôle de la lysyl-ARNt synthétase mitochondriale humaine dans la réplication du VIH-1. Caractérisation de son interaction avec des protéines du VIH-1 et recherche d'inhibiteurs pouvant bloquer la réplication virale

NEGRONI Mattéo	CNRS UPR 9002, Institut de Biologie Moléculaire et Cellulaire, Strasbourg	Identification de contraintes pour la génération d'enveloppes fonctionnelles du VIH-1 en exploitant la variabilité génétique naturelle entre isolats primaires
ROHR Olivier	INSERM U 575, Centre de Neurochimie, Strasbourg	Rôle de CTIP2 et de son complexe enzymatique associé dans la latence post-intégrationnelle du VIH-1 et de ciblage pharmacologique de ce corécepteur
SAIB Ali	CNRS UMR 7151, Hôpital Saint-Louis, Paris	Bases moléculaire de la latence pré-intégrative du VIH-1
SERRADJI Nawal	Université Paris Diderot, Paris	Conception rationnelle de nouveaux inhibiteurs d'entrée du VIH-1. Modélisation moléculaire
TISNE Carine	UMR 8015 CNRS, Faculté de Pharmacie, Université René Descartes Paris V	Initiation de la transcription inverse du VIH : étude structurale et criblage par RMN

## BOURSES

BANNWARTH Ludovic	FRE2852 CNRS, Université Paris 6, Institut J. Monod, Paris	Inhibiteurs de la protéase du VIH-1 : nouvelles preuves mécanistiques (ultracentrifugation, cristallographie) et amélioration de la biodisponibilité
DIDIERLAURENT Ludovic	CNRS UMR 5236 UM1/UM2, Institut de Biologie, Université de Montpellier	Etude des mécanismes contrôlant la spécificité de l'encapsulation des ARN dans le VIH-1
EMILIANI Stéphane	INSERM U567, CNRS UMR 8104, Institut Cochin, Paris	Contrôle de la réplication du VIH-1 par VBP1, un nouveau co-facteur cellulaire de l'intégrase
DUMAS Philippe	CNRS UPR 9002, Institut de Biologie Moléculaire et Cellulaire, Strasbourg	Structures cristallographiques de complexes d'initiation de la rétro-transcription du VIH
LEVOYE Angélique	Département Virologie, Institut Pasteur, Paris	Détermination des propriétés fonctionnelles de l'hétérodimère CXCR4/CXCR7 et implication dans l'infection par le VIH
Non nominative	CNRS UMR 5089, IPBS, Toulouse	Caractérisation de l'organisation dynamique des récepteurs du VIH à la membrane de cellules cibles vivantes : Changements induits par l'interaction du virus ou de ligands spécifiques des récepteurs
MIRANDE Marc	CNRS FRE 2930, Gif-sur-Yvette	Interaction entre lysyl-ANRt synthétase mitochondriale humaine et protéine du VIH-1. Caractérisation de l'interaction et criblage d'une chimiothèque pour isoler des molécules pouvant bloquer la réplication virale
SIMON-LORIERE Etienne	UPR9002, Institut Pasteur Dpt Biologie struct. et chimie, Paris	Identification de contraintes à la génération d'enveloppes du VIH-1 fonctionnelles exploitant la variabilité génétique naturelle entre isolats primaires